



IMSUT & RCAST GCOE 特別セミナー 〈キャリアパス支援テクニカルセミナー〉

「転写制御のバイオインフォマティクス入門」開催のご案内

(医科研ヒトゲノム解析センター・スーパーコンピュータ室 主催)

コンピュータをさわるのにあまり抵抗のない実験系研究者を主に想定した、遺伝子発現データならびに転写制御領域の配列解析に関する入門的な講義と実習を開催いたします。皆様のご参加をお待ちしております。

Tutorial about Bioinformatics of Transcriptional Regulation (This course will be given in Japanese.)

日 時：2012年11月29日(木) 13:30 ~ 17:00

場 所：東京大学医科学研究所ヒトゲノム解析センター4階セミナー室

対 象：ヒトゲノム解析センター計算機システム利用者および利用予定者

定 員：35名(事前申込者先着順)

参加費：無料

13:30 - 14:25 「次世代シーケンサーが切り開く新しい転写制御解析」

(新領域創成科学研究科メディカルゲノム専攻 准教授：鈴木 穰)

近年の新型シーケンサーの進歩により、ゲノム塩基配列の決定だけでなく、トランスクリプトーム解析にも大きな進歩があった。その現状を概説する。

14:25 - 14:30 休憩

14:30 - 15:40 「転写制御領域解析」

(機能解析イン・シリコ分野：朴 聖俊)

転写因子結合部位データと遺伝子発現プロファイルを用いた転写制御解析を統計処理ソフトウェア R で行う。

15:40 - 15:50 休憩

15:50 - 17:00 「がんの転写プログラム解明のためのバイオインフォマティクス」

(DNA 情報解析分野 特任助教：新井田 厚司)

転写モジュールに基づいたがんの転写プログラム解析法、EEM 法の紹介及び EEM Web Service の利用法の解説を行う。

申込方法：本講習では実習用PCの数に制限がありますので、参加者は先着 35 名に限らせていただきます。事前のお申し込みは下記フォーマットにて、11月28日(水)17:00 までにE-mailにてお申し込み下さい。

E-mail: hgc-lect@hgc.jp 東京大学医科学研究所ヒトゲノム解析センター・スーパーコンピュータ室

「転写制御のバイオインフォマティクス入門習(11月29日)」に参加します。

氏名：

所属：

E-mail：

TEL：

ご要望：
