

＜生命情報統合プラットフォームを用いた 網羅的遺伝子発現データの解析＞

* 技術室主催 東大医科研テクニカルセミナー との共催です。

日時： 11 月 1 日(木)15:00 - 16:30

場所： 2 号館 2 階大講義室

演者： 谷口 理恵 ・ (株)KM データ

上記の日程で、セミナーを開催いたします。

近年、実験手法の進歩により、一度に大量のデータを簡単に得ることが出来るようになってきました。しかし、多くの情報を手にする事は、データの解釈が複雑化することを意味しています。そこで正しい情報を搭載したデータベースを参照し、パスウェイ解析ツールをうまく利用する事が、大量データにおぼれることなく、効率的に知見を得るのに重要になってきます。またその際に用いる参照データの正確さがその解析結果を大きく左右することになってきます。ただ単に GO 解析を行うだけではなく、制御関係を加味した解析を行うこと、膨大な量の論文から必要な情報のみを引き出すことにより、実験から論文発表までの時間を短縮する事ができます。

今回のセミナーでは、次世代シーケンサーデータ、DNA チップデータ、質量分析データなどを用いたパスウェイ解析の例を用いて、実際に実験データを解析する方法について紹介していただきます。デモ機も設置しますので実際にデータ解析を体験することもできます。

ご興味のある方など、多数の方にご参加いただければと思います。研究室の方々に広くお知らせいただければ幸いです。皆様のご参加をお待ちいたしております。

詳しくは添付の[別紙](#)をご覧ください。

＜技術室主催東大医科研テクニカルセミナー担当＞

技術室 山根・小西（内線 75257） chiekomk@ims.u-tokyo.ac.jp

＜GCOE キャリアパス支援テクニカルセミナー担当＞

GCOE 推進室/プロジェクトコーディネーター室 中川清美（内線 75254）

gcoe@ims.u-tokyo.ac.jp